

## **A- Remplacement pour l'activité RASTOP :**

On va travailler avec **LibMol** : <https://libmol.org/> selon la procédure suivante :

1- Dans la barre de recherche, entrer "TLR4" et cliquer sur le seul résultat proposé (Un complexe entre TLR4 et MDM2 ...)

2- Dans l'onglet "Commandes", sélectionner "Protéine" puis "Squelette" puis "Chaînes"

3- Dans l'onglet "Commandes", sélectionner "Autres" (Lipides) puis "Sphères" puis "Palette" et colorer en rouge

4- Dans l'onglet "Commandes", sélectionner "Glucides" puis "Sphères" puis "Palette" et colorer en vert

A l'écran, on doit alors pouvoir identifier la localisation du LPS (LipoPolySaccharides) qui est composé de glucides + lipides (donc vert + rouge) et visualiser comment le récepteur se fixe au LPS. Faites une capture d'écran puis légendez et titrez.